

LABOKLIN S.L., Avenida de la Industria 4, 28108 Alcobendas

Palmela Vet Center
Joana Rosa Monteiro
Av. Antoine Velge, Quinta da Gloria 3
2950- 011 Palmela (Portugal)
Portugal

| | |
|-----------------------|---------------------|
| Resultado Nr.: | 2407-M-15071 |
| Fecha de entrada: | 03.07.2024 |
| Fecha de informe: | 11.07.2024 |
| Inicio de análisis: | 03.07.2024 |
| Fin de análisis: | 11.07.2024 |
| Estato del informe: | Informe final |

| | |
|-----------------------------|-------------------------|
| Especie: | Perro |
| Raza: | Old Line german sheperd |
| Sexo: | Hembra |
| Nombre: | T-kaina Northstar |
| LOE/Pedigree: | IHR 2220892 |
| Microchip: | 250268780524104 |
| Edad / Fecha de nacimiento: | 23.08.2022 |
| Material: | Sangre |
| Fecha: | 02.07.2024 |
| Propietario: | Frohn, Inés |
| Código paciente: | --- |

Mielopatía degenerativa - PCR

Resultado: Genotipo N/N (exón 2)

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el exón 2 del gen SOD1 considerada como factor de alto riesgo de DM.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Nota: en el boyero de Berna está descrita otra mutación en el exón 1 del gen SOD1 relacionada también con DM.

Hiperuricemia - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen SLC2A9 responsable de HUU.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Longitud del pelo I (pelo corto/largo) - PCR

HIHd1 SNP G284T: 1/1

Comentario:

Se ha encontrado otra mutación responsable del pelo largo en las siguientes razas:

galgo afgano, Akita Inu, Alaskan Malamute, Chow Chow, Eurasian, French bulldog, Husky siberiano, Ratonero de Praga, Shar Pei, Samoyedo

Estas otras mutaciones pueden ser responsables del pelo largo en estas razas.

Interpretación:

El test detecta los alelos L (pelo corto) y l (pelo largo). Serie alélica: L dominante sobre l Exclusivamente genotipo L/L: La muestra examinada es homocigota para el alelo L

responsable de pelo corto.

Sólo un genotipo L/l:

La muestra examinada es heterocigota para

los alelos L y l. El alelo l responsable de pelo largo es transmitido al 50% de su descendencia. Múltiples genotipos L/l: La muestra analizadas es heterocigota para los alelos L y l en mas de un locus. El perro transmitirá el alelo l para pelo largo a su descendencia.

Al menos un genotipo l/l: La muestra examinada es homocigota para el alelo l responsable de pelo largo.

Defecto genético MDR1 (Sensibilidad a ivermectina)

Resultado: Genotipo N/N (+/+)

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen ABCB1 responsable de MDR. Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Estudios científicos han encontrado relación entre la mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: perro pastor australiano, Border Collie, Elo, pastor alemán, whippet de pelo largo, bobtail, collie, perro pastor de Shetland, Silken Windhound, Wäller, pastor blanco suizo.

Por favor, tenga en cuenta que, en algunos casos, los animales heterocigotos pueden mostrar signos clínicos.

La prueba genética se corresponde con lo publicado por Mealey et al. (2001) "La sensibilidad a la ivermectina en el Collie está asociada a una mutación por delección en el gen MDR1." La mutación ha sido identificada en el gen MDR1, nt230 (de14)

Enanismo - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen LHX3 responsable de enanismo.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Lobero checoslovaco, lobero de Saarloos, pastor alemán, pastor blanco suizo, perro cazador de osos de Carelia, perro reno de Laponia, terrier tibetano

D-Locus (Dilución, Aclarados del color) - PCR

Resultado para d1: Genotipo N/d1 (anteriormente D/d1)

Interpretación: Se ha encontrado un alelo d1 en esta muestra. El animal es heterocigoto para esta variante.

El genotipo global del complejo del locus D solo puede deducirse si se analizan todas las variantes conocidas del locus D (d1, d2 y d3). Algunos de estos alelos solo existen en razas específicas.

Nota: La nomenclatura de los resultados se ha modificado para estandarizarse junto al resto de pruebas genéticas.

El resultado es válido sólo para el material recibido en el laboratorio. La responsabilidad acerca de la veracidad de los datos aportados corresponde al remitente. No se ofrecen garantías a este respecto. La garantía de compensación se limita legalmente al valor de la factura de los análisis realizados.

No se pueden excluir otras alteraciones genéticas que puedan influir en la expresión de la enfermedad o los criterios. Los análisis se realizan de acuerdo con los conocimientos científicos en ese momento.

El laboratorio está acreditado para realizar los análisis que corresponden a este resultado según la norma DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (Excepto test realizados en laboratorios colaboradores).

Classic STR DNA-perfil (ISAG 2006) - PCR

| | |
|---------------|----------------|
| Amelogenin: | X/X |
| AHT 121: | 80/102 |
| AHT 137: | 131/135 |
| AHTH 130: | 127/135 |
| AHTH 171: | 219/223 |
| AHTH 260: | 242/252 |
| AHTK 211: | 87/87 |
| AHTK 253: | 286/294 |
| CXX 279: | 116/126 |
| FH 2054: | 152/176 |
| FH 2848: | 240/240 |
| INRA 21: | 95/99 |
| INU 005: | 110/126 |
| INU 030: | 146/150 |
| INU 055: | 214/218 |
| REN 105 L 03: | 227/241 |
| REN 162 C 04: | 206/206 |
| REN 169 D 01: | 216/216 |
| REN 169 O 18: | 168/170 |
| REN 247 M 23: | 270/270 |
| REN 54 P 11: | 226/234 |
| REN 64 E 19: | 155/155 |

La nomenclatura está basada en los estándares de comparación ISAG 2006.

El resultado es válido sólo para el material recibido en el laboratorio. La responsabilidad acerca de la veracidad de los datos aportados corresponde al remitente. No se ofrecen garantías a este respecto. La garantía de compensación se limita legalmente al valor de la factura de los análisis realizados. No se pueden descartar modificaciones genéticas adicionales no descritas que influyan en el desarrollo de la enfermedad.

El laboratorio está acreditado para realizar los análisis que corresponden a este resultado según la norma DIN EN ISO 17025:2018.

En el perfil de ADN solicitado se incluye un certificado (no en clasificación racial) en el caso de que la muestra haya sido tomada por un veterinario. Por favor, compruebe que los datos del animal y propietario son correctos. Los cambios en estos datos sólo pueden ser realizados hasta el final del mes siguiente a la recepción del resultado, y es necesario la confirmación previa por escrito por parte del veterinario. Cambios posteriores en certificados emitidos podrán ser realizados pero supondrán la nueva realización del mismo con los costes pertinentes.

Toma de la muestra:

La siguiente persona imparcial (veterinario o persona autorizada) firma el formulario para la toma de muestras y comprueba la identidad del animal:

Estos resultados se basan en el material de muestra enviado a nuestro laboratorio. Este material es adecuado salvo que se indique lo contrario. El remitente es responsable de la exactitud de la información relativa a la muestra. Este informe solo puede transmitirse íntegramente y sin cambios. Hacer lo contrario requiere el permiso por escrito de Laboratorio Veterinario Laboklin S.L.

Antonio Barrientos Soriano
Veterinario

***** FIN del informe *****



Laboklin App