

LABOKLIN S.L., Avenida de la Industria 4, 28108 Alcodendas

Veterinario  
Paulo Borges  
Rua Oceano Indico 11 R/C Esq  
2655- 486 Ericeira  
Portugal

**Resultado Nr.:** **2401-M-01476**  
Fecha de entrada: 20.01.2024  
Fecha de informe: 26.01.2024  
Inicio de análisis: 20.01.2024  
Fin de análisis: 26.01.2024  
Estado del informe: Informe final

Especie:	Perro
Raza:	Pastor Alemán
Sexo:	Hembra
Nombre:	Brenda vom Black & Szer-Can
LOE/Pedigree:	PKKR 384/05/22
Microchip:	616099000060289
Edad / Fecha de nacimiento:	04.04.2022
Material:	Sangre
Propietario:	Quinta, Silfrohn
Código paciente:	---

## **Mielopatía degenerativa - PCR**

Resultado: Genotipo N/N (exón 2)

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el exón 2 del gen SOD1 considerada como factor de alto riesgo de DM.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Nota: en el bojero de Berna está descrita otra mutación en el exón 1 del gen SOD1 relacionada también con DM.

## **Hiperuricemia - PCR**

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen SLC2A9 responsable de HUU.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

## **Longitud del pelo I (pelo corto/largo) - PCR**

HIHd1 SNP G284T: 1/1

## **Comentario:**

Se ha encontrado otra mutación responsable del pelo largo en las siguientes razas:

galgo afgano, Akita Inu, Alaskan Malamute, Chow Chow, Eurasian, French bulldog, Husky siberiano, Ratonero de Praga, Shar Pei, Samoyedo

Estas otras mutaciones pueden ser responsables del pelo largo en estas razas.

## **Interpretación:**

El test detecta los alelos L (pelo corto) y l (pelo largo). Serie alélica: L dominante sobre l Exclusivamente genotipo L/L: La muestra examinada es homocigota para el alelo L responsable de pelo corto.

Sólo un genotipo L/l: La muestra examinada es heterocigota para los alelos L y l. El alelo l responsable de pelo largo es transmitido al 50% de su descendencia. Múltiples genotipos L/l: La muestra analizadas es heterocigota para los alelos L y l en mas de un locus. El perro transmitirá el alelo l para pelo largo a su descendencia.

Al menos un genotipo ll: La muestra examinada es homocigota para el alelo l responsable de pelo largo.

## **Defecto genético MDR1 (Sensibilidad a ivermectina)**

Resultado: Genotipo N/N (+/+)

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen ABCB1 responsable de MDR. Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Estudios científicos han encontrado relación entre la mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: perro pastor australiano, Border Collie, Elo, pastor alemán, whippet de pelo largo, bobtail, collie, perro pastor de Shetland, Silken Windhound, Wäller, pastor blanco suizo.

Por favor, tenga en cuenta que, en algunos casos, los animales heterocigotos pueden mostrar signos clínicos.

La prueba genética se corresponde con lo publicado por Mealey et al. (2001) "La sensibilidad a la ivermectina en el Collie está asociada a una mutación por delección en el gen MDR1." La mutación ha sido identificada en el gen MDR1, nt230 (de14)

## **Enanismo - PCR**

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen LHX3 responsable de enanismo.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Lobero checoslovaco, lobero de Saarloos, pastor alemán, pastor blanco suizo, perro cazador de osos de Carelia, perro reno de Laponia, terrier tibetano

## **D-Locus (Dilución, Aclarados del color) - PCR**

Resultado para d1: Genotipo N/N (anteriormente D/D)

Interpretación: No se encontró ningún alelo d1 en esta muestra.

El genotipo global del complejo del locus D solo puede deducirse si se analizan todas las variantes conocidas del locus D (d1, d2 y d3). Algunos de estos alelos solo existen en razas específicas.

Nota: La nomenclatura de los resultados se ha modificado para estandarizarse junto al resto de pruebas genéticas.

## **I locus (Feomelanina - Intensidad) - PCR**

Resultado para i: Genotipo N/i (anteriormente I/i)

Interpretación: En esta muestra se encontró un alelo i. El animal es heterocigoto para la mutación responsable de esta variante.

Nota: La nomenclatura de los resultados se ha modificado para estandarizarse junto al resto de pruebas genéticas.

El resultado es válido sólo para el material recibido en el laboratorio. La responsabilidad acerca de la veracidad de los datos aportados corresponde al remitente. No se ofrecen garantías a este respecto. La garantía de compensación se limita legalmente al valor de la factura de los análisis realizados.

No se pueden excluir otras alteraciones genéticas que puedan influir en la expresión de la enfermedad o los criterios. Los análisis se realizan de acuerdo con los conocimientos científicos en ese momento.

El laboratorio está acreditado para realizar los análisis que corresponden a este resultado según la norma DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (Excepto test realizados en laboratorios colaboradores).

**Estos resultados se basan en el material de muestra enviado a nuestro laboratorio. Este material es adecuado salvo que se indique lo contrario. El remitente es responsable de la exactitud de la información relativa a la muestra. Este informe solo puede transmitirse íntegramente y sin cambios. Hacer lo contrario requiere el permiso por escrito de Laboratorio Veterinario Laboklin S.L.**

Luisa Murcia Giro - Veterinaria

**\*\*\* FIN del informe \*\*\***



Laboklin App